ZKO6

Target Position: exon 10

Sense Strand Sequence

gacactttgagtagtgatccagtcttctgttcgccgccaggtcaacatgtctgactctagttgatgtgtgtgtgtgtgtgtgtgt
gtgtgtgtgtgtgtgtcagATCAATAAGCTGCACCTGTGTAAGCCGCTCATCCGCGCCATCGACAGCT
CCAACCTGAAGGACGAGTACACCATGGCTCAGCGCGTCACCTACAAATACTACGTGGGCAGG
AAGGCCATGTTCGACAGCGACTTCAAACCAGgtctgaccacatgaggatgaggatggccattatggtggaa
gcttggtgatgatgattgttatggtgataattatgatgaagatgatgaataatttggttgtcatgttgatggtatgtgatgatg
atgagggctgttatagtgtgatgatgttacagtacataatgatgatgttgatgatgatgatgatgatgatgatgaaggtgtgt
gtgtgtgtgcagctgaggagtgtctgtcgttctcctttaccc

Uppercase: Exon/coding sequence
Lowercase: intron/noncoding sequence
atcg : Forward/Reverse primer
atcg : cas9 target site

ZKO6a: 5 bp deletion

```
CLUSTAL format alignment by MAFFT FFT-NS-i (v7.215)

WT              AAGCCGCTCATCCGCGCCATCGACAGCTCCAACCTGAAGGACGAGTACACCATGGCTC
ZKO6a           AAGCCGCTCATCCGCGCCATCGACAGCTCCA-----AAGGACGAGTACACCATGGCTC
                ******************************     **********************
```