

ZKO374

Target Position: exon 2

Sense Strand Sequence

gcgttcagtcattctcattgctctttaataaaagttttgaataaagattggcgtttcttataaataacatggaaacttacgtg
aaatataatggtaacgttatatacaaatgtttccatccaggtgaattgggtaggtagcatgttcgttttaacactaacct
atctgtcacttctgtttttcaatatagACCAGTTGGAGCGTGTGTTTTACGCTTGGGTCATGCTGA
AACAGACGAGCAGTTGCAGGATATTATATCTAAGTTCCTGCCTCCTGTCTCCTCAAATATCA
AGTGTGCAAGAGGGGTTTCGCAAGAAAgaagtgtgtaaactgttagtaatgaagcaggtttaagtttagg
ggtcagtaaaccagtaacagaaaacatatgaagtacaacgtattttaaatttagcttggttctttactcactaattatac
catatTTTTgtgtataaaactatttgacatttgaattaatgttgtaaaagtactatcactgttacctacaactttatgttt
gtaattgtaacttaagttagttgtagtctggacctgctc

Uppercase: Exon/coding sequence

Lowercase: intron/noncoding sequence

atcg : Forward/Reverse primer

atcg : cas9 target site

ZKO374a: 6bp deletion, 33bp insertion

CLUSTAL format alignment by MAFFT FFT-NS-i (v7.215)

```
WT          GCTTGGGTCATGCTGAAACAGACGAGCAG-----TTGC
ZKO374a     GCTTGGGTCATGCTGAAACAGACGAGCAGTATTATTATCTAAGTATTATATAAGTATTAT
*****
**..

WT          AGGATATTATATCTAAGTTCCTGCCTCCTGTCC
ZKO374a     ATCATATTATATCTAAGTTCCTGCCTCCTGTCC
* *****
```